



**Y- DNA haploskupiny v slovenskej populácii.** Veľkosť kruhu je úmerná populačnej početnosti haploskupiny. Spojnice ukazujú, ako sú jednotlivé haploskupiny postupne odvodené od spoločného koreňa, ktorý je vľavo dolu (Y root). Najčastejšou líniou je R1a (48%), ktorá je aj najčastejšia v Európe a spolu s R1b majú zastúpenie cca 65%. Spoločný predok haploskupiny R1 žil pred 35 000 až 40 000 rokmi a spoločný predok haploskupiny R1a pred približne 15 000 rokmi. Druhou najčastejšou je línia I (22%), ktorej vek je cca 22 000 rokov a pôvod má v juhovýchodnej Európe (Balkán), no jej podskupina I1a má najvyššiu početnosť v Škandinávii, kam sa dostali jej nositelia až po ústupe posledného zaľadnenia Európy. Haploskupiny J a E, ktoré sa do Európy dostali počas neolitckej

migrácie, majú súhrnnú početnosť cca 10% a vek okolo 10 000 rokov. Ostatné haploskupiny sú zriedkavé. Obrázok a dáta sú z výsledkov výskumnej činnosti Katedry molekulárnej biológie Prírodovedeckej fakulty UK v Bratislave, autor Mgr. Marián Baldovič.